高分子構造科学研究室

<スタッフ> 今田 勝巳(教授) 川口 辰也(講師) 竹川 宜宏(助教)

<研究のキーワード>

(1)	生体高分子複合体	(2)	超分子機械	(3)	細菌べん毛
(4)	蛍光蛋白質	(5)	酵素	(6)	構造解析

<令和6年度の主な研究活動概要>

当研究室では、細菌べん毛システムや蛋白質分泌装置の構造・機能解析を中心に 生体高分子でできた分子機械の作動原理の研究を行っている。令和6年度は、(1)ナ トリウム駆動型べん毛モーター固定子の構造、(2)べん毛回転子リング複合体の構造、 (3) 枯草菌固定子のナトリウム依存的な構造変化についての研究を行った。

(1) ナトリウム駆動型べん毛モーター固定子の構造 1)

(A)

細菌はべん毛と呼ばれるら せん状の繊を、蛋白質でで きたモーターでスクリューの ように回して泳ぐ。べん毛 モーは回転子と固定子で 構成する。しかし、固定子の レンが流れるとべん毛は 回転する。しかし、固定子の イオンをどのように見分ける のか不明である。我々はナト リウムイオンで駆動するモー

ターを持つ海洋性ビブリオ属

菌の固定子に着目し、クライ

途中で塞がった \hat{J} -90° 長いトンネル トンネル (イオンの通り道)

(B) 長いトンネルの拡大図

トリウムイオン

図1ビブリオ属菌固定子の構造

(A) ナトリウムイオンの通り道の位置。(B) ナトリムイオンが通るトンネルの拡大図。(C) 阻害剤の位置。

オ電子顕微鏡を用いてナトリウムイオン結合状態と非結合状態の固定子の立体構造 を解明し、ナトリウムイオンが通る場所の特定とイオンの種類を選別するしくみを 明らかにした。また、ナトリウムイオンの流れを止める阻害剤が結合した構造も解 明し、阻害剤がイオン流路を塞ぐのではなく、回転に伴う固定子の構造変化を阻害 することでイオン透過を阻害することを明らかにした。

(2) べん毛回転子リング複合体の構造²⁾

海洋性ビブリオ属菌 Vibrio alginolyticus は1本の極べん毛を持ち、ナトリウムイオン で駆動する。べん毛モーターは回転子と固定子で構成され、回転子は膜を貫通する MS リングと細胞質側でトルク発生に関わるC リングから成る。MS リングは FliF 蛋

我々は、ビブリオ属菌の S リング の構造をクライオ電子顕微鏡を用い て解析し、サルモネラ属菌の S リン グと比較した。その結果、RBM3 ド メイン領域の分子配置が異なるにも かかわらず、RBM3 とβカラー領域を 繋ぐ領域の角度が変化することでべ ん毛回転軸を包むBカラー領域の分子 配置が両者で一致していることがわ かった。

(3)枯草菌固定子のナトリウム依存 的な構造変化³⁾

グラム陽性菌である Bacillus subtilis のべん毛モーターの固定子は5分子 の MotP 蛋白質と 2 分子の MotS 蛋白 質で構成され、ナトリウムで駆動す る。1 回膜貫通型蛋白質である MotS の C 末ドメインは、ペプチドグリカ

白質の集合体であり、C リングは FliG、FliM, FliN の3種類の蛋白質の集合体である。



図 2 ビブリオ属菌 S リング(A)とサルモネラ属菌 S リング(B)の構造比較



図3枯草菌固定子のナトリウム依存的な構造変化

ン層に結合する活性を持ち、ナトリウム依存的に MotS が構造変化することで、十分 なナトリウムイオン存在下でのみ固定子をモーターに組み込んで固定する働きをも つ。構造変化の詳細を解明するため、MotS の C 末ドメインの結晶構造をナトリウム 存在下と非存在下で解析したが、両者に違いはなかった。そこで、膜貫通領域と C 末ドメインを繋ぐループ領域に注目し、ループ領域を含むフラグメントと含まない フラグメントの円二色性偏光スペクトルをナトリウム存在下と非存在下で調べ、こ のループ部分がナトリウム依存的なヘリックスコイル転移を起こすこと、さらに変 異体蛋白質の同様な解析から、この構造変化を起こす鍵となるアミノ酸残基を特定 した。

<参考文献>

- 1. Nishikino, T.; Takekawa, N.; Kishikawa, J-I.; Hirose, M.; Kojima, S.; Homma, M.; Kato, T.; Imada, K. Proc. Natl. Acad. Sci. U S A. 2025, 122:e2415713122. Epub 2024
- 2. Takekawa, N.; Nishikino, T.; Kishikawa, J-I.; Hirose, M.; Kinoshita, M.; Kojima, S.; Minamino, T.; Uchihashi, T.; Kato, T.; Imada, K.; Homma, M. mBio 2024, 15, e0126124.
- 3. Takekawa, N.; Yamaguchi, A.; Nishiuchi, K.; Uehori, M.; Kinoshita, M.; Minamino, T.; Imada, K. Biomolecules 2025, 15, 302.